

## **A Study of the Stability of *Escherichia coli* on DNA Banking Card (DBC) for Molecular Tests**

**Zahra Shahab Movahhed<sup>1</sup>, Sorous Zeinali<sup>2,3</sup>, Mohammad Mehdi Aslani<sup>4\*</sup>**

1- M.Sc., Department of Microbiology, Faculty of Basic Sciences, Ghom Branch of Islamic Azad University, Ghom, Iran

2- Associated Professor, Medical Biotechnology Research Center, Pasteur Institute of Iran, Tehran, Iran

3- Associated Professor, Kowsar Human Genetics Research Center, Tehran, Iran

4- Professor, Department of Microbiology, Pasteur Institute of Iran, Tehran, Iran

*\*Corresponding Address: P.O.Code: 1316943551, Department of Microbiology, Pasteur Institute of Iran, Tehran, Iran  
Email: mmaslani@yahoo.com*

**Received: 08/Dec/2011, Accepted: 11/Feb/2012**

### **Abstract**

**Objective:** Traditional methods for storing microbial DNA samples use the low-temperatures of 4 °C, -20°C or -80 °C. The DBC Card is a new method of storing microbial DNA at room temperature. This study evaluates the stability and determine the best storing method of Bacterial DNA on the DBC card.

**Methods:** In this study, we used a pair of primers from the conserved domain of 16srRNA designed to identify *Escherichia coli*. Four different types of samples we prepared: i) bacterial suspension, ii) bacterial DNA extracted by the phenol – chloroform method, iii) bacterial lysate with lysis buffer and iv) bacterial DNA produced by the boiling method. All four samples were spotted on separate DBC cards and dried at room temperature. After periods of 3, 5 and 7 months, *Escherichia coli* samples were checked for DNA stability with two molecular techniques, conventional PCR with 1, 2 and 3 disks as a source of bacterial DNA (1 mm diameter) and Real-Time PCR.

**Results:** Data showed that DNA stability was maintained after 7 months on a DBC disk, even using only one disk as a DNA source. The bacterial suspension was the best method for long-term storage of *Escherichia coli* DNA on the DBC Card.

**Conclusion:** In traditional methods for storing sample, DNA quality reduces after freezing and thawing. However in the DBC method, DNA quality was maintained for a long duration. Advantages of the DBC method are easy sample handing, low cost, faster extraction, and reduced individual and environmental contamination.

**Keywords:** DNA Banking Card (DBC), Bacteria Suspension, Storing Method of Bacterial DNA, Real-Time PCR

Modares Journal of Medical Sciences: *Pathobiology*, Vol 14, No 4, Winter 2012, Pages: 99-107

## بررسی پایداری DNA اشريشیا کلی روی کارت نگهداری برای انجام آزمایش‌های مولکولی

زهرا شهاب موحد<sup>۱</sup>، سیروس زینلی<sup>۲،۳</sup>، محمدمهری اصلانی<sup>۴\*</sup>

- ۱- کارشناس ارشد، گروه میکروب‌شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد قم، ایران  
۲- دانشیار، مرکز بیوتکنولوژی پزشکی، انتیتو پاستور ایران، تهران، ایران  
۳- دانشیار، مرکز تحقیقات ژنتیک انسانی کوثر، تهران، ایران  
۴- استاد، بخش میکروب‌شناسی، انتیتو پاستور ایران، تهران، ایران

آدرس نویسنده مسئول: ایران، تهران، کدپستی: ۱۳۱۶۹۴۳۵۵۱

Email: mmaslani@yahoo.com

پذیرش مقاله: ۹۰/۱۱/۲۳

دریافت مقاله: ۹۰/۰۹/۱۸

### چکیده

هدف: برای نگهداری DNA میکروارگانیسم‌ها از روش‌های سنتی نگهداری در دمای پایین، ۴، ۲۰ و ۸۰ درجه سانتی‌گراد استفاده می‌شود. کارت DBC یک روش نوین نگهداری DNA در دمای اتاق است. پژوهش حاضر به‌منظور بررسی پایداری DNA باکتری و تعیین بهترین روش نگهداری DNA روی کارت نگهداری DNA طراحی شد.

مواد و روش‌ها: از یک جفت آغازگر از قسمت حفاظت شده دومین srRNA ۱۶ برای شناسایی اشريشیا کلی استفاده شد و چهار نوع مختلف نمونه باکتریایی شامل سوسپانسیون باکتری، DNA خالص باکتری به روش فنل-کلروفرم، باکتری لیز شده با بافر لیز کننده و DNA باکتری با روش جوشاندن تهیه و در روی کارت جداگانه ریخته و در دمای اتاق خشک شد. سپس در زمان‌های ۳، ۵ و ۷ ماه پایداری DNA باکتری اشريشیا کلی با دو روش مولکولی PCR مرسوم با تعداد ۱، ۲، ۳ دیسک (به قطر ۱ میلی‌متر) به عنوان منبع از DNA باکتری و Real-Time PCR بررسی شد.

نتایج: باکتری پس از هفت ماه روی یک دیسک از کارت نگهداری DNA پایداری خود را حفظ نمود و حتی یک پانچ از دیسک به عنوان منبع DNA کافی بود. اما نتایج بررسی حاضر نشان داد که سوسپانسیون باکتری بهترین روش نگهداری طولانی مدت DNA باکتری روی کارت نگهداری DNA است.

نتیجه‌گیری: در روش‌های سنتی نگهداری DNA، پس از منجمد و ذوب شدن DNA کیفیت آن کاهش می‌یابد اما در روش کارت نگهداری DNA کیفیت DNA برای زمان طولانی تر حفظ می‌شود و علاوه بر آن این روش مزایایی مانند آسانی در کارکردن با نمونه، قیمت پایین، تخلیص سریع تر و در نهایت کاهش آلودگی فردی و محیطی را دارد.

کلیدواژگان: کارت نگهداری DNA، سوسپانسیون باکتری، روش‌های نگهداری DNA باکتری، Real-Time PCR

مجله علوم پزشکی مدرس: آسیب‌شناسی زیستی، دوره ۱۴، شماره ۴، زمستان ۱۳۹۰، صفحات ۹۹-۱۰۷

### مقدمه

طولانی مدت، دمای ۸۰ درجه سانتی‌گراد توصیه می‌شود.

به طور کالی DNA تخلیص شده در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد برای چندین هفته، در ۲۰ درجه سانتی‌گراد در دمای ۸۰ درجه سانتی‌گراد برای چندین ماه و

دمای متداول برای ذخیره‌سازی DNA خالص ۴ درجه سانتی‌گراد است. برای ذخیره‌سازی در ۲۰ درجه سانتی‌گراد استفاده از فریزر بدون یخ مناسب‌تر است. برای ذخیره‌سازی

پوشانده روی کارت، DNA را از آسیب‌های شیمیایی و آنزیماتیک محافظت می‌کند [۸].

با توجه به مزیت‌های فوق، بررسی بهترین روش نگهداری باکتری روی این کارت‌ها از ضرورت انجام این تحقیق است که پایداری و کیفیت DNA را حفظ کرده و برای روش‌های مولکولی مثل PCR و کیفیت Real-Time PCR کارا باشد. هدف این مطالعه ارزیابی یک روش نوین و کاربردی برای نگهداری DNA است تا با استفاده از آن کیفیت بالای DNA برای انجام روش‌های مولکولی حفظ شود.

## مواد و روش‌ها

### نحوه قرار دادن نمونه‌ها روی DBC

در این مطالعه از سویه استاندارد اشتریشیا کلی ATCC 25922 استفاده شد و چهار نمونه شامل سوسپانسیون باکتری، DNA خالص شده از باکتری به روش فنل-کلروفرم، باکتری لیز شده با بافر لیز و DNA به دست آمده از باکتری بعد از جوشاندن به کار برد شد.

استخراج DNA باکتری به روش فنل-کلروفرم انجام شد. به طور خلاصه بعد از کشت باکتری در محیط کشت مایع BHI (Brain Heart Infusion)، به مدت ۲۴ ساعت در انکوباتور شیکردار (Shaker Incubator) قرار داده شد و پس از سانتریفیوز با دور ۴۰۰۰ دور در دقیقه به مدت ۲۰ دقیقه، به رسوب آن ۶۰۰ میکرولیتر بافر لیز کننده (EDTA ۰/۵ مولار، Tris-HCl ۱ مولار، NaCl ۱ مولار)، ۳ میکرولیتر آنزیم پروتئیناز K (۲۰ میلی‌گرم در میلی‌لیتر) (Qiagen) و ۱۳ میکرولیتر SDS ۱۰ درصد اضافه شد و سپس به مدت ۶۰ دقیقه در بن‌ماری ۶۰ درجه سانتی‌گراد قرار گرفت. به هر نمونه سه مرتبه فنل-کلروفرم اضافه شد و بعد از رسوب دادن DNA با استات سدیم و ۰/۵ میلی‌لیتر اتانول مطلق سرد، DNA با اتانول DNA با اتانول ۷۰ درصد شسته و بعد از خشک نمودن رسوب، در ۳۰ تا ۵۰ میکرولیتر بافر TE (Tris-EDTA) حل و در دمای ۲۰ درجه

می‌شود. در روش سنتی نگهداری DNA این احتمال وجود دارد که بر اثر منجمد و ذوب شدن DNA کیفیت آن پایین آمده و نیاز به تخلیص مجدد باشد. علاوه بر آن؛ در روش‌های نگهداری سنتی DNA نیاز به شرایط کنترل شده آزمایشگاهی است که این روش‌ها وقت‌گیر و دارای هزینه است و از طرفی کشت و تخلیص DNA باکتری‌های سخت رشد، غیر قابل کشت و باکتری‌های بی‌هوایی با مشکلاتی همراه است [۱].

با توجه به طولانی بودن تشخیص براساس کشت باکتریابی و نیز مشکلاتی که در زمینه کشت در ایجاد چهش‌های جدید وجود دارد و همچنین آلودگی‌هایی که در انجام آزمایش ایجاد شده، امروزه شناسایی میکروارگانیسم‌ها به‌طور سریع از تشخیص براساس شکل ظاهری کلونی به سمت روش‌هایی بر پایه تجزیه و تحلیل ژنومیک حرکت کرده است؛ بنابراین لازم است یک روش راحت و مطمئن برای نگهداری DNA باکتری ایجاد شود [۲].

فناوری کارت نگهداری DNA روش جدیدی است که به‌منظور آسان‌تر کردن نگهداری، حمل و نقل، بایگانی و خالص‌سازی اسید نوکلئیک برای نمونه‌های زیست‌شناسخنی به‌منظور تحقیق و تجزیه و تحلیل DNA طراحی شده است [۳]. کارت نگهداری DNA یک جایگزین مناسب برای نگهداری طولانی مدت DNA است که با تجهیزات کمتر، تعداد روش‌های کمتر و ارزان‌تر قابل انجام است. نمونه‌های ذخیره شده با این روش برای تکثیر DNA انسانی، ویروسی و باکتریایی استفاده می‌شود [۴، ۵]. مهم‌ترین مزیت استفاده کارت نگهداری DNA در زمینه میکروبی این است که باکتری‌های بیماری‌زا به محض تماس با کارت غیرفعال می‌شوند؛ بنابراین این کارت محیطی امن و بی‌خطرو را برای محققانی که در زمینه باکتری‌های خطرناک فعالیت می‌نمایند، فراهم می‌کند [۶].

کارت نگهداری DNA (DNA Banking Card: DBC) ابزاری برای نگهداری و بایگانی DNA است. سلول‌های زیست‌شناسخنی در تماس با کارت نگهداری DNA لیز می‌شود و تنها DNA در فیلتر کارت قرار می‌گیرد. مواد شیمیایی

#### بررسی پایداری DNA اشريشیا کلی روی کارت نگهداری DNA

توجه به بررسی نقاط حفاظت شده توالی باکتری، تشابه توالی های  
ژنی با هم مقایسه شد. پس از ترازیندی ترادفهای اخذ شده  
برخی از نقاط حفاظت شده کاملاً با هم ترازنشدند، بنابراین یک  
جفت آغازگر با بازهای متغیر یا آغازگر دژنره (Degenerate) (Nucleotide Primer و BLAST در سرویس های NCBI استفاده شد. بررسی خصوصیات ترمودینامیکی آغازگرها با استفاده از نرم افزار Oligo Analyzer (نسخه ۳/۱) صورت گرفت. توالی آغازگرهای طراحی شده این ژن و طول PCR در جدول ۱ نشان داده شده است.

#### جدول ۱ آغازگر دژنره (T، A، W، C، A، Y، G، R)

آغازگر	توالی	توالی	آغازگر
پیشو رد	(جفت باز) ۲۱	5' CAC ACT GGR ACTGAG ACA CGG 3'	PCR مخصوص طول
پیرو رد	(جفت باز) ۱۹	5' CCT TCW TCA YWC ACG CGG C 3'	۱۰۵

## انجام PCR

ابتدا با استفاده از میکروپانچ (Micro Punch) با قطر ۱ میلی‌متر به تعداد ۱، ۲ و ۳ دیسک برای هر ۴ نمونه موجود روی کارت تهیه شد و طبق دستورالعمل استخراج DNA از کارت DBC، دیسک‌ها شستشو شد و مستقیماً در داخل تیوب PCR برای انجام واکنش قرار گرفت. از DNA تخلیص شده باکتری با روش فل - کلروفرم در لوله آزمایش به عنوان کنترل هشتگ استفاده شد.

برنامه PCR به این ترتیب بود: یک مرحله واسرشت اولیه در دمای ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱۰ دقیقه، سپس ۳۲ چرخه شامل واسرشت سازی در دمای ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱ دقیقه، اتصال آغازگرها در دمای ۵۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱ دقیقه، تکثیر قطعه در دمای ۷۲ درجه سانتی گراد به مدت ۱ دقیقه، و در نهایت یک چرخه نهایی در دمای ۷۲ درجه سانتی گراد به مدت ۱ دقیقه.

سانتی گراد ذخیره شد.

برای تهییه سوپیانسیون باکتری تعدادی از کلونی های باکتری در محیط کشت مایع BHI حل شده و سپس با دستگاه اسپکتروفوتومتر در طول موج ۶۰۰ نانومتر، تعداد باکتری در سوپیانسیون مشخص شد [۷].

برای تهییه نمونه DNA از باکتری به روش جوشاندن، ابتدا مقداری از کلیوپنی باکتری در آب استریل حل شد و سوپسپانسیون به مدت ۳۰ دقیقه در بن ماری ۱۰۰ درجه سانتی گراد قرار داده شد و بعد از سانتریفیوژ با دور ۹۰۰۰ دور در دقیقه به مدت ۱۰ دقیقه، محلول رویی به میکروتیوب جدید منتقل شد.

برای تهیه باکتری لیز شده با بافر لیز ابتدا به رسوب حاصل از سانتریفیوژ کشت مایع باکتری بافر لیز کننده، ۱۰ SDS درصد و آنزیم پروتینیاز K اضافه شد و در بن ماری ۶۰ درجه سانتی گراد همدمت یک ساعت قرار داده شد.

نمونه‌های DNA در حجم ۵۰ نانوگرم میکرولیتر به جذب ۱۰۰۰ بر میکرولیتر تنظیم شد و ۵۰ میکرولیتر از نمونه‌ها در دایره‌ای به قطر ۲ سانتی‌متری روی دیسک DBC ریخته شد. بررسی تعیین مقدار DNA روی یک دیسک با قطر ۱ میلی‌متر نشان داد که حدود ۲/۵ نانوگرم بر میکرولیتر DNA روی یک دیسک قرار داشته است. نمونه‌ها به صورت همگن روی سطح دایره کارت DBC (شرکت زیست فناوری کوثر، تهران، ایران) ریخته شد و در دمای اتاق به مدت یک ساعت خشک و سپس کارت‌ها در کسیه پلاستیکی زیپ‌کیپ مربوط به کارت گذاشته شد و در جای مناسب دور از رطوبت و نور نگهداری شد.

## روند طراحی آغازگه یا ای واکنش PCR

دراین مطالعه ژن هدف گذاری شده برای تشخیص باکتری اشريشیا کلی از قسمت حفاظت شده ژن srRNA 16 است. برای طراحی آغازگر، تراویف‌های این ژن از سایت NCBI استخراج شد. ۲۷۷ توالی دریافتی با استفاده از نرم افزار (CLC Sequence viewer Version 6.4) ترازنیدی شد. با

میکروپانچ جدا کرده و ۳۰۰ میکرولیتر از آب مقطر استریل به میکروتیوب اضافه و به مدت ۱۵ دقیقه در دمای اتاق گذاشته شد و هر ۵ دقیقه یکبار ورتکس (Vortex) انجام شد و درنهایت محلول رویی که حاصل از شستشو اولیه دیسکها است از محیط خارج شد سپس مجدداً ۵۰ میکرولیتر آب مقطر استریل به میکروتیوب اضافه و به مدت ۳۰ دقیقه در بنماری ۱۰۰ درجه سانتی گراد جوشانده شد و سپس دیسکها خارج شد. این محلول حاوی ژنوم باکتری بود [۹].

برای واکنش Real-Time PCR از نمونه DNA تخلیص شده هر چهار نمونه به صورت تکرار سه تایی (Triplicate) به همراه یک واکنش بدون DNA الگو گذاشته شد و برای نمونه استاندارد از DNA تخلیص شده به روش فنل-کلروفرم به غلظت ۱۰ نانوگرم بر میکرولیتر در واکنش استفاده شد. واکنش اصلی ۱۰ نانوگرم با استفاده از دستگاه ABI 7500 (شرکت ABI، آمریکا) انجام شد. درون هر چاهک از پلیت دستگاه مخلوطی به حجم ۲۵ میکرولیتر از ۱۲/۵ میکرولیتر مخلوط (YBER Green Master Mix Applied I Biosystems ، UK) میکرولیتر از هر یک از آغازگرهای اختصاصی، ۵ میکرولیتر از نمونه ها و ۴/۵ میکرولیتر آب مقطر تهیه شد. برنامه زمانی و دمایی واکنش انجام شده در دستگاه اصلی سایبر گرین I (Real-Time PCR مدل ABI 7500) در سه مرحله عبارت بود از: مرحله اول شامل چرخه واسرشت سازی اولیه در دمای ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱۰ دقیقه، مرحله دوم ۴۵ چرخه واسرشت سازی در دمای ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱۵ ثانیه، اتصال آغازگر در دمای ۶۰ درجه سانتی گراد به مدت ۱ دقیقه و در مرحله سوم به منظور رسم منحنی تفکیک، یک چرخه با دمای ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱۵ ثانیه، ۶۰ درجه سانتی گراد به مدت ۲۰ ثانیه و ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۱۵ ثانیه.

به منظور بررسی کمترین غلظت DNA روی کارت DBC یک رقت متواالی از نمونه سوسپانسیون باکتری اشريشیا کلی روی کارت DBC و سپس رقت های متواالی (۱/۲، ۱/۴، ۱/۸ و ۱/۱۶) از نمونه اولیه DNA تخلیص شده تهیه و به صورت تکرار سه تایی گذاشته شد و روش آماده سازی DNA، نسبت

اندازه قطعه حاصل از تکثیر ۱۰۵ جفت باز بود. در هر واکنش که در حجم ۲۵ میکرولیتر انجام شد، بافر X ۱۰ (شرکت کوثر، ایران)، ۱۰۰ میلی مولار منزیزیوم کلراید (شرکت کوثر، ایران)، ۱۰ میلی مولار dNTP (شرکت کوثر، ایران)، ۱۰ میلی مولار آغازگر (شرکت سیناژن، ایران) و ۱ واحد آنزیم پلیمراز (شرکت GeneON، آلمان) استفاده شد. محصول PCR پس از اتمام واکنش تکثیر برای بررسی کیفی الکتروفورز شد.

### روند طراحی آغازگر برای واکنش

از قسمت حفاظت شده ژن 16srRNA به عنوان ژن هدف برای تشخیص باکتری اشريشیا کلی برای واکنش Real-Time PCR استفاده شد. برای طراحی آغازگر برای واکنش-Real-Time PCR از تراوفهای منطقه ژن حفاظت شده ژن 16srRNA استفاده شد. برای اطمینان از اختصاصی بودن آغازگرهای سرویس های Nucleotide Primer BLAST و BLAST سایت NCBI و بررسی خصوصیات ترمودینامیکی آغازگرهای با استفاده از نرم افزار Gene Runner (نسخه ۳/۰۵) به کار برده شد. توالی آغازگرهای طراحی شده این ژن و طول محصول PCR در جدول ۲ نشان داده شده است.

جدول ۲ توالی آغازگر Real-Time PCR

آغازگر	توالی	طول محصول PCR
توالی پیشرو	۵' AACTGAGACACGGTCCAGACTCC ۳' (جفت باز) ۲۳	۲۳
توالی پیرو	۵' GCTTGCACCCCTCCGTATTACC ۳' (جفت باز) ۲۱	

### واکنش PCR و تعیین کمترین غلظت

#### DBC روی کارت

برای انجام واکنش Real-Time PCR ابتدا ۴ دیسک از هر چهار نمونه آماده شده از کارت های مربوط با استفاده از

## بررسی پایداری DNA اشريشیا کلی روی کارت نکهداری



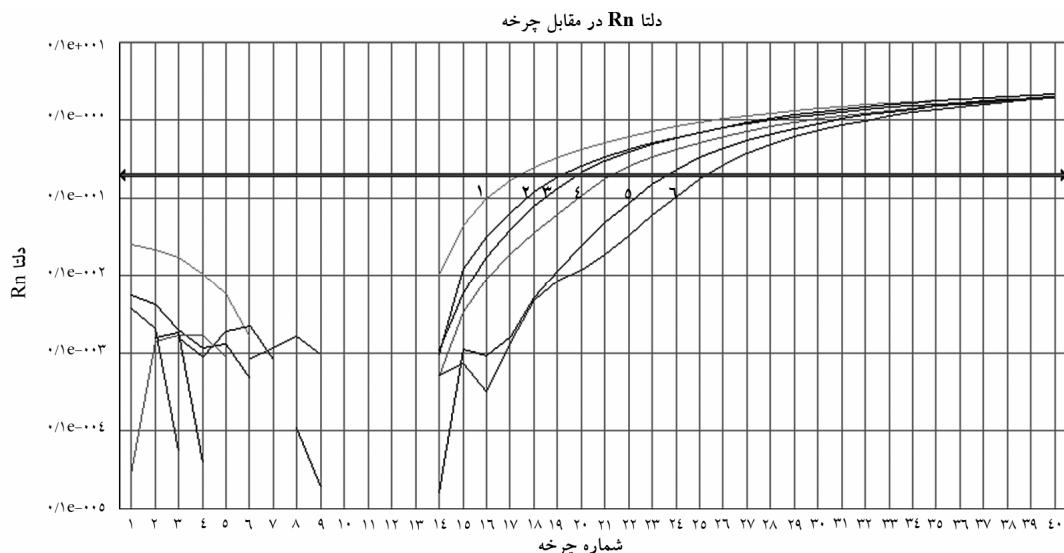
شکل ۱ تکثیر ژن 16srRNA با استفاده از دیسک پس از هفت ماه قرار دادن باکتری روی کارت؛ (۱) DNA خالص باکتری به روش فنل-کلروفرم (۱) دیسک، (۲) جوشانده شده باکتری (۱ دیسک)، (۳) سوسپانسیون باکتری (۱) دیسک، (۴) لیز شده باکتری (۱ دیسک)، (۵) DNA خالص باکتری به روش فنل-کلروفرم (۲ دیسک)، (۶) جوشانده شده باکتری (۲ دیسک)، (۷) سوسپانسیون باکتری (۲ دیسک)، (۸) لیز شده باکتری (۲ دیسک)، (۹) خالص باکتری به روش فنل-کلروفرم (۳ دیسک)، (۱۰) جوشانده شده باکتری (۳ دیسک)، (۱۱) سوسپانسیون باکتری (۳ دیسک)، (۱۲) لیز شده باکتری (۳ دیسک)، (۱۳) کترل مثبت مقدار ۱ میکرولیتر از نمونه تخلیص باکتری به روش فنل-کلروفوم، (۱۴) کترل منفی (فاقد DNA)، (M) نشانگر ۵۰ جفت بازی

ترکیبات واکنش Real-Time PCR و برنامه دستگاه Real-Time PCR مطابق با روش ذکر شده قبلی انجام شد.

## نتایج

### بررسی واکنش PCR ژن 16srRNA

در این مطالعه در سه، پنج و هفت ماه پس از قرار دادن نمونه‌ها روی کارت، پایداری DNA با استفاده از واکنش PCR بررسی شد. نتایج نشان داد که پایداری DNA پس از گذشت هفت ماه حفظ شده و هر چهار نمونه DNA باکتری دارای DNA مناسب و با کیفیت برای انجام واکنش PCR است. در ضمن حتی DNA روی یک دیسک با قطر ۱ میلی‌متری دارای مقدار کافی و مناسب برای انجام واکنش PCR بود (شکل ۱).



نمودار ۱ نمودار Ct برای بررسی کارایی Real-Time PCR پس از هفت ماه قرار دادن باکتری روی کارت؛ (۱) نمونه استاندارد، (۲) سوسپانسیون باکتری، (۳) رقت ۱/۲ سوسپانسیون باکتری، (۴) رقت ۱/۴ سوسپانسیون باکتری، (۵) رقت ۱/۸ سوسپانسیون باکتری، (۶) رقت ۱/۱۶ سوسپانسیون باکتری، (۷) رقت ۱/۳۲ سوسپانسیون باکتری، (۸) رقت ۱/۶۴ سوسپانسیون باکتری، (۹) رقت ۱/۱۲۸ سوسپانسیون باکتری، (۱۰) رقت ۱/۲۵۶ سوسپانسیون باکتری، (۱۱) رقت ۱/۵۱۲ سوسپانسیون باکتری، (۱۲) رقت ۱/۱۰۲۴ سوسپانسیون باکتری، (۱۳) رقت ۱/۲۰۴۸ سوسپانسیون باکتری، (۱۴) رقت ۱/۴۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۱۵) رقت ۱/۸۱۹۲ سوسپانسیون باکتری، (۱۶) رقت ۱/۱۶۳۸۴ سوسپانسیون باکتری، (۱۷) رقت ۱/۳۲۷۶۸ سوسپانسیون باکتری، (۱۸) رقت ۱/۶۵۵۳۶ سوسپانسیون باکتری، (۱۹) رقت ۱/۱۳۱۰۷۲ سوسپانسیون باکتری، (۲۰) رقت ۱/۲۶۲۱۴۴ سوسپانسیون باکتری، (۲۱) رقت ۱/۵۲۴۲۸۸ سوسپانسیون باکتری، (۲۲) رقت ۱/۱۰۴۸۵۷۶ سوسپانسیون باکتری، (۲۳) رقت ۱/۲۰۹۶۱۵۳۶ سوسپانسیون باکتری، (۲۴) رقت ۱/۴۱۹۲۳۰۷۲ سوسپانسیون باکتری، (۲۵) رقت ۱/۸۳۸۴۶۱۴۴ سوسپانسیون باکتری، (۲۶) رقت ۱/۱۶۷۶۸۲۸۸ سوسپانسیون باکتری، (۲۷) رقت ۱/۳۳۵۳۶۴۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۲۸) رقت ۱/۶۷۱۷۶۸۱۶۴۰ سوسپانسیون باکتری، (۲۹) رقت ۱/۱۳۴۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۰) رقت ۱/۲۶۸۶۷۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۱) رقت ۱/۵۳۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۲) رقت ۱/۱۰۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۳) رقت ۱/۲۱۴۸۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۴) رقت ۱/۴۲۹۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۵) رقت ۱/۸۵۹۵۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۶) رقت ۱/۱۷۱۹۱۴۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۷) رقت ۱/۳۴۳۸۲۸۱۴۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۸) رقت ۱/۶۸۷۶۴۰۱۴۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۳۹) رقت ۱/۱۳۷۵۲۰۱۴۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری، (۴۰) رقت ۱/۲۷۴۹۰۰۱۴۷۴۷۳۵۳۶۸۰۹۶ سوسپانسیون باکتری.

داد که با رقیق شدن نمونه مقدار چرخه آستانه افزایش پیدا کرده و از طرفی مقدار DNA حاصل از رقت ۱/۱۶ دارای پایداری مناسب و کارا برای انجام Real-time PCR است (نمودار ۱).

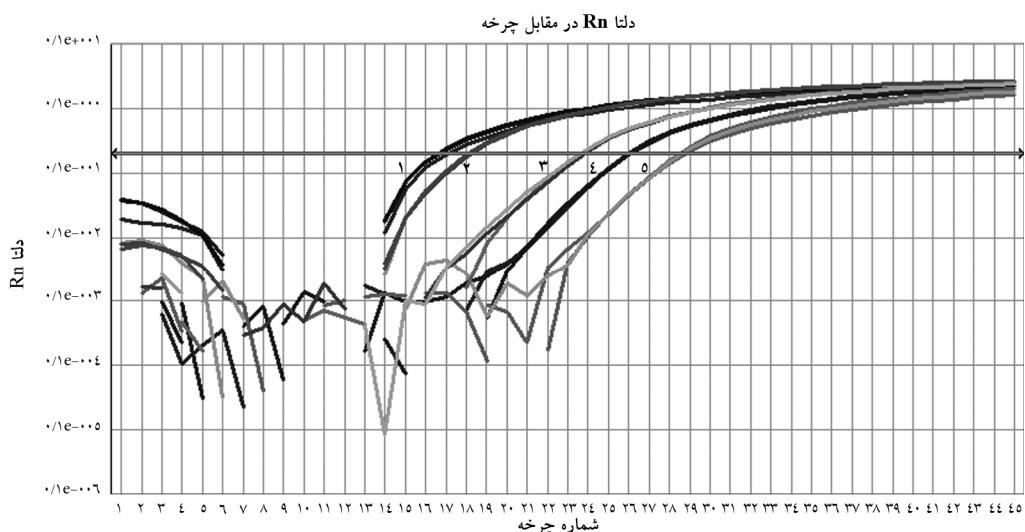
### تعیین کمترین غلظت DNA روی کارت DBC با روش Real-time PCR

رقت‌های متوالی از DNA از کارت سوسپانسیون نشان

هرچه مقادیر چرخه آستانه بالاتر باشد، نشانگر مقادیر کمتری از DNA در نمونه اولیه است [۱۰]. نتایج بررسی چرخه آستانه نشان داد که در هر سه مرحله زمانی، روش سوسپانسیون باکتری نسبت به حالت‌های دیگر دارای چرخه آستانه کمتر و تکثیر بالاتر است. از میان روش‌های مورد استفاده روش DNA جوشاندن از هر چهار حالت دیگر کیفیت و مقدار DNA پایین‌تری داشت (نمودار ۳).

## بررسی واکنش Real-Time PCR برای ژن 16srRNA

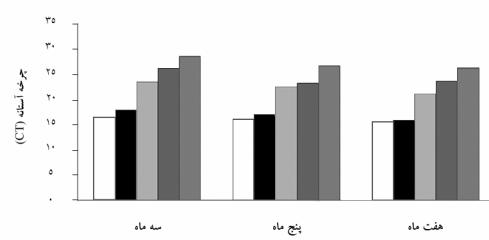
داده‌های اولیه حاصل از انجام Real-Time PCR با استفاده از روش مقایسه‌ای چرخه آستانه (Threshold Cycle: Ct) در هر ماه بررسی شد (نمودار ۲). چرخه آستانه به‌طور معکوس با مقادیر اولیه DNA ژنومی مناسب بود و چرخه آستانه کمتر از ۲۵ دارای مقادیر مناسب و کافی برای انجام واکنش است و



نمودار ۲ نمودار Real-Time PCR پس از هفت ماه قراردادن باکتری روی کارت؛ (۱) نمونه استاندارد، (۲) سوسپانسیون باکتری، (۳) لیز شده باکتری، (۴) خالص باکتری، (۵) جوشانده شده باکتری

روش Real-Time PCR بیشترین کاربرد را دارد. استفاده از روش Real-Time PCR بعد از تشخیص ویروس، بیشترین کاربرد را در تشخیص سریع و دقیق باکتری‌های بیماری‌زا دارد [۱۱]. برای انجام واکنش‌های مولکولی نیاز به DNA خالص و با کیفیت است.

روش تخلیص DNA باکتری به روش فنل-کلروفرم زمان بر بوده و برای تخلیص باکتری از زمان کشت تا آخرین مرحله تخلیص باکتری حداقل دو روز زمان لازم است. البته اگر روش بهدرستی انجام نشود ممکن است مواد آلی در DNA باقی مانده و بعدها به عنوان مهارکننده‌ای برای انجام روش‌های مولکولی باشد. در ضمن استفاده از مواد شیمیایی مثل فنل و کلروفرم با خطراتی برای فرد آزمایش کننده همراه



نمودار ۳ مقایسه بین مقادیر چرخه آستانه (Ct) ماههای ۳، ۵ و ۷ ماه پس از قرار دادن باکتری روی کارت

## بحث

امروزه از روش‌های مولکولی برای تشخیص سریع و دقیق باکتری‌ها استفاده می‌شود. از میان روش‌های مورد استفاده دو

## بررسی پایداری DNA اشربیشیا کلی روی کارت نگهداری

DNA استفاده شد که نیجه کیفیت بهتر PCR با نمونه FTA تخلیص شده از کارت بود [۱۴].

در این تحقیق از باکتری اشربیشیا کلی که عامل طیف وسیعی از بیماری‌های عفونی و ادراری [۱۵] است، استفاده شد. این باکتری همچنین به عنوان یک ارگانیسم مدل در بیوتکنولوژی و تولید پروتئین‌های نوترکیب کاربرد وسیعی دارد [۱۶]. هم اکنون سازمان‌ها و مراکز مختلفی در ایران در زمینه نگهداری باکتری فعالیت می‌کنند (مثلًا مرکز ملی ذخایر ژنتیکی و زیستی، مرکز ملی ذخایر ژنتیکی و زیستی ایران، مرکز پژوهشی کلکسیون میکرووارگانیسم‌های دانشگاه تهران، کلکسیون میکروبی انسیتو پاستور) ولی هنوز مراکز مستقلی وجود ندارد که روی نگهداری DNA باکتری فعالیت کند. کارت DBC مشابه کارت FTA و دارای همان خصوصیات نگهداری DNA است که به صورت محصول داخلی عرضه شده است. با توجه به مزایایی که در بالا بیان شد، جای این کارت‌ها در آزمایشگاه‌ها و مراکز تحقیقاتی خالی است و مطالعه حاضر نشان داد که کارت DBC قابلیت نگهداری DNA باکتری اشربیشیا کلی را برای مدت طولانی دارد؛ بنابراین توصیه می‌شود استفاده از DBC جایگزین روش‌های سنتی نگهداری DNA باکتری شود و در مراکز فعال در زمینه مطالعه، بررسی و آزمایش و نیز ذخیره باکتری‌ها، مورد استفاده قرار گیرد.

## تشکر و قدردانی

بدین‌وسیله از مرکز تحقیقات میکروب‌شناسی انسیتو پاستور ایران و مرکز تحقیقات بیوتکنولوژی انسیتو پاستور ایران و آزمایشگاه ژنتیک پزشکی دکتر زینلی بابت همکاری در این تحقیق تشکر می‌نماییم.

است که تمامی این مراحل طولانی و با احتمال خطر بالاست و از نظر اقتصادی نیز به صرفه نیست. روش‌های مبتنی بر استفاده از کیت‌های تجاری نیز معمولاً پرهزینه و وقت‌گیر است. سایر روش‌های تخلیص نیز مشکلات مشابهی دارد. اما در روش ارایه شده که بر مبنای کارت‌های استاندارد طراحی شده است، تخلیص DNA به راحتی و در زمان بسیار کوتاه صورت می‌گیرد و برای تخلیص DNA نیز نیازی به استفاده از مواد شیمیایی خطرناک و شرایط آزمایشگاهی خاص نیست. علاوه بر آن چون باکتری روی کارت غیرفعال شده است پس امکان آلدگی شخصی و محیطی به حداقل می‌رسد.

(Flinders Technology Associates) FTA توسط شرکت واتمن (Whatman) در سال ۲۰۰۲ با تحقیقی که راجندرام (Rajendram) و همکارانش در زمینه نگهداری باکتری روی کارت FTA انجام دادند، شناخته شد [۱۲]. لامپل (Lampel) و همکارانش در سال ۲۰۰۳ توانستند اسپور چندین سویه باسیلوس (*Bacillus*) را از روی کارت FTA با روش PCR جدا کنند. آن‌ها ادعا داشتند که روش استفاده از کارت FTA در زمینه نمونه‌های غذایی، بالینی و محیطی مفید است [۱۳]. در سال ۲۰۰۶ راجندرام و همکارانش ۴۰۰ جنس و گونه مختلف باکتری روی کارت FTA نگهداری کردند و پس از یک سال ۱۰۰ جنس باکتریایی را با روش مولکولی بررسی کردند و اثبات کردند که کارت FTA، کارتی مناسب برای نگهداری DNA باکتری برای طولانی مدت است [۷]. در ضمن استفاده از این کارت‌ها بسیار ارزان‌تر از سایر روش‌های اشاره شده است.

در سال ۲۰۰۹ فتاح و همکارانش تحقیقی را در زمینه نگهداری و تشخیص لیشمانیا (*Leishmania*) انجام دادند که در این بررسی از کارت FTA برای مقایسه‌ای بین نمونه‌های تازه تخلیص شده لیشمانیا و نمونه‌های نگهداری شده در کارت

## منابع

- [1] Holland NT, Smith MT, Eskenazi B, Bastaki M. Biological sample collection and processing

for molecular epidemiological studies. Mutat Res 2003; 543(3): 217-34.

- [2] Bosshard PP, Abels S, Zbinden R, Böttger EC, Altwegg M. Ribosomal DNA sequencing for identification of aerobic gram-positive rods in the clinical laboratory (an 18-month evaluation). *J Clin Microbiol* 2003; 41(9), 4134-40.
- [3] Whatman Inc. FTA protocols: collect, transport, archive and access nucleic acids-all at room temperature; WB120047; Copyright Whatman Inc. 2002. Available at [www.whatman.com](http://www.whatman.com).
- [4] De Paoi P, Biobanking in microbiology: from sample collection to epidemiology, diagnosis and research, *FEMS Microbiol Rev* 2005; 29: 897-910
- [5] Becker S, Franco JR, Simarro PP, Stich A, Abel PM, Steverding D. Real-time PCR for detection of *Trypanosoma brucei* in human blood samples. *Diagn Microbiol Infect Dis* 2004; 50(3): 193-9.
- [6] Smith LM, Burgoyne LA. Collecting, archiving and processing DNA from wildlife samples using FTA databasing paper. *BMC Ecol* 2004; 4, 4.
- [7] Rajendram D, Ayenza R, Holder FM, Moran B, Long T, Shah HN. Long-term storage and safe retrieval of DNA from microorganisms for molecular analysis using FTA matrix cards. *J Microbial Methods* 2006; 67(3): 582-92.
- [8] Neimark H. Proposal for archival reference collections of chromosomal DNA from uncultivated bacterial species. *Int J Syst Evol Microbial* 2005; 55(Pt 4): 1407.
- [9] Whitman Inc. Recommended Protocol: Whatman FTA® Elute. Long-term DNA storage at room temperature combined with easy elution for multiple applications from a single sample, WB120410, Available at [www.whatman.com](http://www.whatman.com).
- [10] Livak KJ, Schmittgen TD. Analysis of relative gene expression data using real-time quantitative PCR and the 2(-Delta Delta C(T)) Method. *Methods* 2001; 25(4): 402-8.
- [11] Mackay IM. Real-time PCR in the microbiology laboratory. *Clin Microbiol Infect* 2004; 10(3): 190-212.
- [12] Rajendram. Microbial Applications of FTA. Technology. Bacterial strains and clinical isolates stored on FTA. 2002 Poster IUMS International Conference, Paris. ([www.levanchimica.it/assets/.../whatman-Brochure-Bio-SCEVCE.pdf](http://www.levanchimica.it/assets/.../whatman-Brochure-Bio-SCEVCE.pdf))
- [13] Lampel KA, Dyer D, Kornegay L, Orlandi PA. Detection of *Bacillus* spores using PCR and FTA filters. *J Food Prot* 2004; 67(5): 1036-8.
- [14] Fata A, Khamesipour A, Mohajery M, Hosseininejad Z, Afzalaghaei M, Berenji F, Ganjbakhsh M, Akhavan AA, Eskandari E, Amin-Mohammadi A. Whatman paper (FTA cards) for storing and transferring *Leishmania* DNA for PCR examination. *Iranian J Parasitol* 2009; 4(4): 37-42.
- [15] Todar K. "Pathogenic *E. coli*". Online Textbook of Bacteriology. University of Wisconsin-Madison Department of Bacteriology. Retrieved 2007-11-30. (<http://textbookofbacteriology.net>)
- [16] Cornelis P. Expressing genes in different *Escherichia coli* compartments. *Curr Opin Biotechnol* 2000; 11(5): 450-4.